

大阪科学・大学記者クラブ 御中

(同時資料提供先：科学記者会、文部科学記者会、大学記者会（東京大学）)

※文部科学記者会へは東京大学からも配信しております。

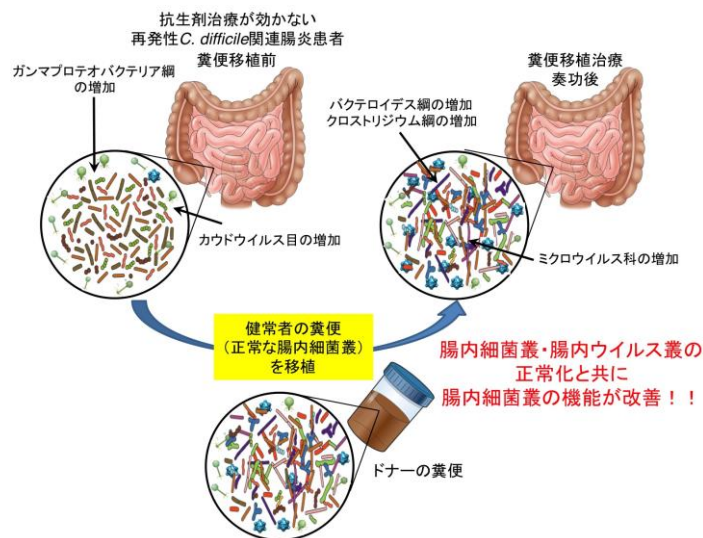
2021年2月10日
大阪市立大学
東京大学

異常になった腸内細菌叢が劇的に機能回復するメカニズムを明らかに

糞便移植治療によって腸内細菌叢が機能回復するメカニズムを解明 ～抗菌薬投与によって起こる再発性 *C. difficile* 関連腸炎の治療に光～

<本研究のポイント>

- ◇抗菌薬などの投与によって腸内細菌叢が異常になって起こる再発性 *Clostridioides difficile* (*C. difficile*) 関連腸炎の治療メカニズムを解明した。
- ◇再発性 *C. difficile* 関連腸炎患者の糞便移植治療前後およびドナー糞便の腸内細菌叢およびウイルス叢を解析した。
- ◇糞便移植治療前は、悪い腸内細菌がはびこっており、腸炎を誘導していた。
- ◇健常者の糞便を移植することで、腸内細菌とウイルスが相互に作用し、障害された機能が回復した。



<概要>

大阪市立大学大学院医学研究科 ゲノム免疫学の植松智教授（東京大学医科学研究所附属ヒトゲノム解析センター メタゲノム医学分野 特任教授、附属国際粘膜ワクチン開発研究センター 自然免疫制御分野 特任教授を兼務）、藤本康介助教（東京大学医科学研究所附属ヒトゲノム解析センター メタゲノム医学分野 特任助教、附属国際粘膜ワクチン開発研究センター 自然免疫制御分野 特任助教を兼務）、東京大学医科学研究所附属ヒトゲノム解析センター 健康医療インテリジェンス分野の井元清哉教授らの研究グループは、ブリガム・アンド・ウィメンズ病院の Jessica Allegretti 博士を中心とする研究チームと国際共同研究を行い、再発性 *Clostridioides difficile* 関連腸炎患者の糞便移植治療の前後およびドナー糞便の腸内細菌叢と腸内ウイルス叢を詳細に解析しました。

C. difficile 関連腸炎は抗菌薬関連下痢症として知られています。治療にはバンコマイシンやメ



トロニダゾールといった抗菌薬が用いられますが、特に欧米諸国では再発性・難治性になることが多く、米国では年に数万人の死者が出ています。近年では、再発性 *C. difficile* 関連腸炎に対し、健康な人の糞便を内視鏡などを使って腸管内に注入する糞便移植治療^{※1}が非常に効果的であり、実践されています。しかし、糞便移植治療がどのように再発性 *C. difficile* 関連腸炎に影響を与え、その病気の改善につながるのか、十分に解明されていませんでした。

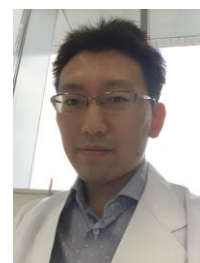
本研究グループは、糞便移植治療が乱れていた腸内細菌と腸内ウイルスの構成比や感染関係を劇的に変化させるだけでなく、腸内細菌叢の機能回復にもつながることを示しました。

本研究成果は2月9日（日本時間）に国際科学雑誌『Gastroenterology』（IF=17.373）にオンライン掲載されました。

※1 糞便移植治療…健康な人の糞便に含まれている腸内細菌（乱れていない腸内細菌）を病気の患者に投与する治療法です。欧米を中心に行われている治療法で、特に再発性 *C. difficile* 関連腸炎に対して非常に有効だと報告されています。健康な人の糞便を生理食塩水で懸濁し、濾過した後、内視鏡を用いて腸管内に散布します。

研究者からのひとこと

再発性 *C. difficile* 関連腸炎に対する糞便移植治療の有効性のエビデンスが多数報告されてきた一方で、糞便移植治療が奏功する詳細なメカニズムは明らかではありませんでした。ゲノム解析技術を駆使することで、腸管内の細菌・ウイルスの相対割合の変化だけでなく、細菌叢の機能回復が起こっていることを突き止めることができました。



藤本 康介助教

<研究の背景>

消化管内には細菌やウイルスをはじめとした常在微生物叢が存在し、私たちの健康に大きな影響を与えています。次世代シーケンサー^{※2}をはじめとしたゲノム解析技術の進歩に伴い、常在微生物叢解析が盛んに行われるようになりました。特に、腸内細菌叢の乱れと疾患（肥満、糖尿病、関節リウマチ、炎症性腸疾患など）との関係性が明らかとなり、乱れた腸内細菌叢を是正することで治療につなげようとする研究が世界中で進められています。

C. difficile は健康な人の腸管にも常在している菌の一つで、普段はおとなしくしています。さまざまな感染症の治療に抗菌薬は有用ですが、広域スペクトルの抗菌薬が使われて正常な腸内細菌叢が破壊されると、*C. difficile* は増殖し2種類の毒素を出して発熱や下痢を主症状とした *C. difficile* 関連腸炎が起こることがあります。国内では、使用していた抗菌薬を中止し、*C. difficile* に感受性を持つバンコマイシンやメトロニダゾールといった抗菌薬の投与によって改善を認めることが多いとされています。ところが、欧米では *C. difficile* の強毒株の出現や抗菌薬に対する耐性化などにより、治療がうまくいかなかったり、再発したりするケースが多数報告されています。そのような場合には、糞便移植治療が非常に有効だと報告されています。糞便移植治療は、国内ではまだ臨床研究が進められている状況ですが、欧米では既に治療ガイドラインに取り入れられている治療法です。しかし、再発性 *C. difficile* 関連腸炎の改善に伴って、腸内細菌やウイルスの構成が変化することは知られているものの、その機能の変化についてはこれまでほとんど明らかとはなっていませんでした。

※2 次世代シーケンサー…遺伝子の配列を高速に読み出せる装置で、圧倒的に短時間かつ低コストでゲノム解析をすることが可能。

<研究の内容>

本研究では、米国ボストンのブリガム・アンド・ウィメンズ病院で糞便移植治療が奏功した再発性*C. difficile*関連腸炎患者9例およびそのドナーの糞便サンプルから腸内細菌ゲノムと腸内ウイルスゲノムを抽出し、それぞれ全ゲノムシーケンスを行いました。昨年報告した腸内細菌と腸内ウイルスの解析パイプライン^{※3}を用いてその構成割合と感染関係の解析を行いました。糞便移植治療前のサンプルでは抗菌薬の使用に伴った腸内細菌叢の乱れが起こり、ガンマプロテオバクテリア綱の細菌が増加すると共に、カウドウイルス目のウイルスが増加していました。一方、治療後のサンプルでは、バクテロイデス綱・クロストリジウム綱の細菌とマイクロウイルス科のウイルスが増加していました（図1）。また、治療後の腸内細菌叢およびウイルス叢はドナーの腸内細菌叢およびウイルス叢に近づいていることもわかりました。

※3 Cell Host & Microbe 2020 Sep 9;28(3):380-389.e9.

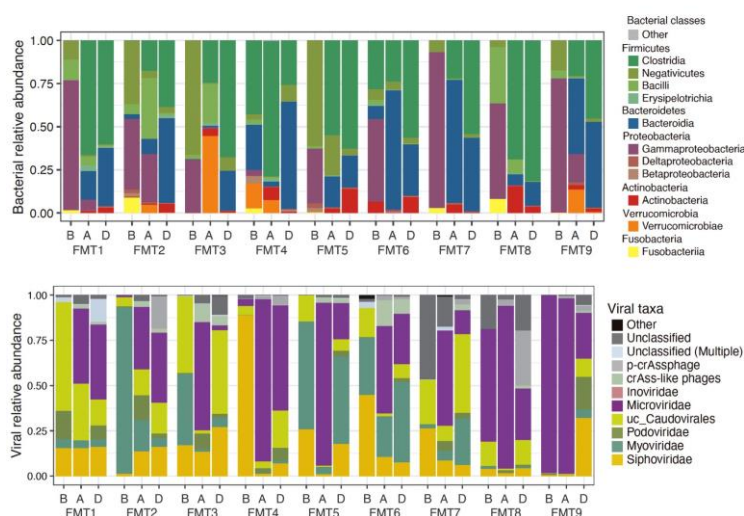


図1：9例の腸内細菌叢（上段）とウイルス叢（下段）の構成比

さらに今回得られたシーケンスデータを用いて、腸内細菌叢の機能解析を行いました。糞便移植治療前では、炎症と関連するフルオロ安息香酸分解経路が特徴的に認められ、移植前で増加し移植後に消失したガンマプロテオバクテリア綱の細菌がこの経路に関わっていることが明らかになりました。移植後では、腸内細菌叢はドナーの構成比に近づいただけでなく、ドナーの腸内細菌叢が持つ機能に近づく（腸内細菌叢の機能が回復している）ことが明らかとなりました。アルギニンおよびオルニチン代謝経路、2次胆汁酸合成経路が糞便移植治療後で特徴的であり、機能の回復によって病態の改善に繋がっていることがわかりました。以上のことから、再発性*C. difficile*関連腸炎における病態形成に関わる菌群や、腸内細菌叢の機能回復に重要な菌群、遺伝子が明らかになりました。

<期待される効果>

米国では強毒株の*C. difficile*が出現しており、再発性*C. difficile*関連腸炎は国際的な社会問題となっています。今後、日本においてもそのリスクは増大すると考えられます。治療が非常に難しい再発性*C. difficile*関連腸炎に対して、糞便移植治療は非常に効果的であり期待される治療法の一つです。しかしながら、移植に用いるドナーの糞便に関して、未だ「正常である」と



いう定義ができていないため安全性が非常に危惧されています。そのため、近親者をドナーとすることが多く、治療法としてはとても限定的なものとなっています。さらに、多剤耐性大腸菌を移植され死亡した例が2019年に複数報告され、現在糞便移植治療法の改善が強く望まれています。今回の一連の解析により、再発性*C. difficile*関連腸炎において治療標的とする菌の同定ならびに腸内細菌叢の回復機構が明らかになりました。本研究は、今後の糞便移植治療の改善や代替治療の開発への大きな一歩に繋がります。

<資金・特許等について>

本研究は、武田科学振興財団研究助成、キヤノン財団研究助成、JST COI STREAM東京大学V1拠点「自分で守る健康社会」、HPCI戦略プログラム 分野1「予測する生命科学・医療および創薬基盤」の一環として行われました。

■掲載誌情報

発表雑誌：Gastroenterology (IF=17.373)

論文名：Functional Restoration of Bacteriomes and Viromes by Fecal Microbiota Transplantation

著者：最終頁ご参照

【研究内容に関する問合せ先】

大阪市立大学大学院医学研究科 ゲノム免疫学

担当：助教 藤本 康介

TEL：06-6645-3926

E-mail：fujimoto.kosuke@med.osaka-cu.ac.jp

(東京大学医科学研究所附属ヒトゲノム解析センター メタゲノム医学分野 特任助教、附属国際粘膜ワクチン開発研究センター 自然免疫制御分野 特任助教兼務)

TEL：03-6409-2163

E-mail：kfuji@ims.u-tokyo.ac.jp

【ご取材に関する問合せ先】

大阪市立大学 広報課

担当：上嶋 (かみしま)

TEL：06-6605-3411

E-mail：t-koho@ado.osaka-cu.ac.jp

東京大学医科学研究所

国際学術連携室 (広報)

担当：清水

TEL：090-9832-9760

E-mail：koho@ims.u-tokyo.ac.jp



【著者一覧】

Kosuke Fujimoto^{1,2,3}, Yasumasa Kimura⁴, Jessica R Allegretti⁵, Mako Yamamoto⁶, Yao-zhong Zhang⁶, Kotoe Katayama⁶, Georg Tremmel⁷, Yunosuke Kawaguchi¹, Masaki Shimohigoshi¹, Tetsuya Hayashi¹, Miho Uematsu¹, Kiyoshi Yamaguchi⁸, Yoichi Furukawa⁸, Yutaka Akiyama⁹, Rui Yamaguchi⁷, Sheila E. Crowe¹⁰, Peter B. Ernst^{11,12,13}, Satoru Miyano⁷, Hiroshi Kiyono^{11,12,14,15}, Seiya Imoto^{6,16*} and Satoshi Uematsu^{1,2,3,16*}
(*責任著者)

【所属】

¹Department of Immunology and Genomics, Osaka City University Graduate School of Medicine, 1-4-3 Asahi-machi, Abeno-ku, Osaka 545-8585, Japan

²Division of Metagenome Medicine, Human Genome Center, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

³Division of Innate Immune Regulation, International Research and Development Center for Mucosal Vaccines, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

⁴Division of Systems Immunology, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

⁵Division of Gastroenterology, Hepatology, and Endoscopy, Department of Medicine, Brigham and Women's Hospital, Boston, MA 02115, USA

⁶Division of Health Medical Intelligence, Human Genome Center, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

⁷Laboratory of DNA Information Analysis, Human Genome Center, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

⁸Division of Clinical Genome Research, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

⁹Department of Computer Science, Tokyo Institute of Technology, 2-12-1 Ookayama, Meguro-ku, Tokyo 152-8550, Japan

¹⁰Department of Medicine, University of California, San Diego, La Jolla, CA 92093, USA

¹¹Division of Gastroenterology, Department of Medicine, CU-UCSD Center for Mucosal Immunology, Allergy and Vaccines, University of California San Diego, San Diego, La Jolla, CA 92093, USA

¹²Division of Comparative Pathology and Medicine, Department of Pathology, University of California San Diego, San Diego, La Jolla, CA 92093, USA

¹³Center for Veterinary Sciences and Comparative Medicine, University of California, San Diego, La Jolla,



CA 92093, USA

¹⁴Department of Mucosal Immunology, IMSUT Distinguished Professor Unit, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

¹⁵International Research and Development Center for Mucosal Vaccines, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, 4-6-1 Shirokanedai, Minato-ku, Tokyo 108-8639, Japan

¹⁶Collaborative Research Institute for Innovative Microbiology, The University of Tokyo, 1-1-1 Yayoi, Bunkyo-ku, Tokyo 113-8657, Japan